

ポスター発表一覧

- PA-1** Mechanisms for evolving pathogenicity in the wheat rust fungi suggested by genus-wide comparative genomic analyses
○Ayako Tsushima, Rebecca Doherty, Sarah Holdgate, Grzegorz Czajowski, Pawel Czembor, Diane G.O. Saunders
- PA-2** Integrative analysis on human structural variants reveals putatively adaptive loci with unusual population differentiation
○SAITOU, Marie, MASUDA, Naoki, GOKCUMEN, Omer
- PA-3** Detection of Long Branch Attraction in phylogenetic trees using machine learning
機械学習を用いたLBAの検出
○呉耀慶、堀池徳祐
- PA-4** Evolutionary mechanisms of temperature adaptation through alternative splicing in circadian rhythmic genes
Sheetal Agarwal, Koichiro Tamura
- PA-5** Target capture to reveal bitter taste receptor gene repertoire in dietarily divergent cercopithecoid monkey
食性の多様なオナガザル科に対するターゲットキャプチャーを用いた苦味受容体遺伝子レパートリーの解明
○Min Hou, Masahiro Hayashi, Ryuichi Ashino, Amanda D. Melin, Shoji Kawamura
- PA-6** Genetic diversity of olfactory receptors among human populations
ヒト嗅覚受容体遺伝子レパートリーの民族・生業による多様性の検討
○Muhammad Shoaib Akhtar, Ryuichi Ashino, Yoshihito Niimura, Kazushige Touhara, Amanda D. Melin, and Shoji Kawamura
- PA-7** Development of program for constructing ortholog dataset using taxonomic information
系統分類情報を利用したオーソログデータセット作成プログラムの開発
○渡邊知輝、呉耀慶、堀池徳祐
- PA-8** Frequently observed convergent evolution by either protein divergence generated by transcription starting sites (TSS) shifts or by gene duplication under red-light response in three plants
○江副晃洋、牛島 智一、岡義人、金載旭、Zhang Ping、You-Liang Cheng、Shih-Long Tu、鈴木穰、白井一正、松下 智直、花田耕介

- PA-9** Functional diversity based on the domain evolution of polynucleotide kinase Clp1 revealed by large-scale molecular evolutionary analysis
大規模分子進化解析によって明らかとなるClp1のドメイン進化に基づく機能の多様性
○齋藤 元文、佐藤 朝子、冨田 勝、金井 昭夫
- PA-10** Novel plasmids isolated from natural environmental samples using Replication-Cycle Reaction
Replication-Cycle Reaction法による環境試料中の環状DNAの検出とその塩基配列の解読
○森光矢、奈良聖亜、末次正幸、金原和秀、新谷政己
- PA-11** Comparisons of complete nucleotide sequences of IncPromA-group plasmids
異なるIncPromA群プラスミドの全塩基配列比較
○山本雪絵、早川雅也、森内良太、道羅英夫、新谷政己、金原和秀
- PA-12** Novel IncP-1 plasmids exogenously captured from environmental samples
環境中からの新規IncP-1群プラスミドの取得
○金子健成、中道孝一朗、森内良太、道羅英夫、金原和秀、新谷政己
- PA-13** Comparison of Host Range of Plasmids with Different Base Composition Belonging to the Same Incompatibility Group
同一不和合性群に属する塩基組成の異なるプラスミドの宿主域比較
○徳田真穂、鈴木治夫、雪真弘、大熊盛也、水口千穂、野尻秀昭、金原和秀、新谷政己
- PA-14** Functional investigation of *trbO* gene in IncP-1 group plasmid
IncP-1群プラスミドにおける*trbO*遺伝子の機能解析
○山田亮、金原和秀、新谷政己
- PA-15** Comparisons of transfer frequency between self-transmissible plasmids and mobilizable plasmids
自己伝達性プラスミドと可動性プラスミドの接合伝達頻度の比較
○早川雅也、山本雪絵、金原和秀、新谷政己
- PA-16** Comparisons of Behaviors of Plasmids Belonging to the Incompatibility Group IncPromA Under Different Temperature
不和合性群IncPromA群に属するプラスミドの異なる温度条件下における挙動の比較
○千葉怜碧、徳田真穂、雪真弘、大熊盛也、金原和秀、新谷政己
- PA-17** History of the domestication of foxtail millet (*Setaria italica*)
栽培植物アワの系統化の歴史
○里村和浩、長田直樹、遠藤俊徳

- PA-18** Development of a high-throughput genotyping method for self-incompatibility genes in *Petunia*.
野生ペチュニアにおける自家不和合性遺伝子座の網羅的配列解析手法の確立
○前之園大雅、黒沼尊紀、上原浩一、渡辺均、土松隆志
- PA-19** Cycle in integral number
整数にみられるサイクル
○荻村英雄
- PA-20** The analyses of ancient microbes from Jomon people's DNA
縄文人由来DNAを用いた古代微生物の配列解析
○西村瑠佳、杉本竜太、井上潤、中岡博史、神澤秀明、篠田謙一、井ノ上逸朗
- PA-21** History of a risk allele for diffuse type gastric cancer which attained high allele frequency in the Japanese population
diffuse typeの胃がんのリスクアレルが日本人で高頻度に至った進化的要因の解明
○岩崎理紗、石谷孔司、神澤秀明、河合洋介、五條堀淳、颯田葉子
- PA-22** Transcriptomic analysis to reveal evolutionary basis of hermaphroditism in *Caenorhabditis* nematode
網羅的遺伝子発現解析による*Caenorhabditis*属線虫の雌雄同体への進化基盤の解明
○玉川克典、稲田垂穂、大村駿、畑中龍平、星優希、春田奈美、河田雅圭、杉本亜砂子、牧野能士
- PA-23** Examining temperature tolerance trade-off in *Drosophila albomicans*
アカショウジョウバエの低温耐性と高温耐性のトレードオフの検証
○秋山菜子、田村浩一郎
- PA-24** Evolutionary diversity of *VIR* genes in basal ray-finned fishes
○西森 みき、張 子聡、二階堂 雅人
- PA-25** Molecular evolution of teleostean omp genes provides an inferring of the molecular evolution of Ohnologous genes
魚類の全ゲノム重複前後におけるOMP遺伝子の進化解析
○藤崎花美、二階堂雅人、長澤竜樹
- PA-26** Whole genome sequencing analyses of Lake Victoria cichlid, *Haplochromis chilotes*, demonstrate genomic signatures of local adaptation to subpopulations
ヴィクトリア湖産シクリッド*Haplochromis chilotes*の全ゲノム配列解析による分集団における適応過程の解明
○中村遥奈、畑島諒、相原光人、豊田敦、伊藤武彦、二階堂雅人

- PA-27** A mechanism for parallel evolution on lip thickness of cichlid fishes
シクリッドにおける唇肥大化の平行進化メカニズム
○畑島諒、豊田敦、梶谷嶺、伊藤武彦、二階堂雅人
- PA-28** Genetic diversity of Lake Victoria cichlid fish *Haplochromis* sp. “matumbi hunter”
ヴィクトリア湖固有シクリッド*Haplochromis* sp. “matumbi hunter” の遺伝的多様性
○今本南、中村遥奈、相原光人、伊藤武彦、二階堂雅人
- PA-29** Conserved keratin gene clusters in ancient fishes provides insights for terrestrial adaptation
古代魚において保存されたケラチン遺伝子クラスターと陸上環境適応の関連
○木村 優希、二階堂雅人
- PA-30** Transgressive segregations obtained by interspecific cross of salt-tolerant plants
耐塩性植物の種間交雑で得られた超越分離
○伊藤海帆、内藤健
- PA-31** Patterns behind evolution of bacterial metabolic systems revealed by predictive modelling
進化予測モデルで見つけ出すバクテリア代謝系進化の法則性
○今野直輝、岩崎渉
- PA-32** De novo virus detection and host prediction using CRISPR adaptive immunological memory
CRISPR免疫記憶を使った新規ウイルス同定
○杉本竜太、西村瑠佳、井ノ上逸朗
- PA-33** An overlooked key factor of genome evolution: From molecular mechanisms to microbial dispersion
大規模ゲノム解析で明らかにする遺伝子の「別読み枠」の特徴と進化的意義～分子から生態まで～
○山内駿、岩崎渉
- PA-34** Construction of novel draft genomes for six Cuban *Anolis* lizards using the Chromium System and detection of genomic variation during adaptive evolution
Chromiumシステムを用いたキューバアノールトカゲ6種の新規ドラフトゲノムの構築と適応進化過程で起きた遺伝的変異の推定
○金森駿介、Luis M. Diaz、Antonio Cadiz、山口勝司、重信秀治、河田雅圭
- PA-35** Local adaptation and pseudogenization in Sulawesi macaque species
スラウェシマカクにおける環境適応と偽遺伝子化
○荒川那海、Kanthi Arum Widayati、Laurentia Henrieta Permita Sari Purba、Xiaochan Yan、今井啓雄、Bambang Suryobroto、寺井洋平

- PA-36** Comparison of whole genome sequences of Vero cell sub-lines
全ゲノム配列を用いたVero細胞系列の系統比較
○小西一弘、里村和浩、遠藤俊徳、花田賢太郎、長田直樹
- PA-37** Whole Genome Sequence analysis of wild house mouse *Mus musculus* subspecies across Eurasia
ユーラシア産野生ハツカネズミ (*Mus musculus*) 全ゲノム配列を用いた遺伝的多様性の解明と亜種間比較
○藤原一道、河合洋介、斎藤成也、長田直樹、鈴木仁
- PA-38** Comparative transcriptome Analysis to Reveals Candidate Genes for Cold Tolerance in *Drosophila albomicans* at different climate regions
○Shikha Singh, Tomohiko Kimura, Kotoha Isobe, Koichiro Tamura
- PA-39** Population Genomic Analysis of *Drosophila albomicans* from Taiwan and Japan
○SULTAN LULECIOGLU, YOSHITAKA OGAWA, KOICHIRO TAMURA
- PA-40** Identification of factor(s) that reduces the fitness costs of plasmid carriage on the host
プラスミドの宿主の適応度 (fitness) を変化させる因子の探索と同定
森光矢、○一瀬拓海、金原和秀、新谷政己
- PA-41** A pattern of genetic divergence in the genomic regions responsible for the flight ability in a water strider
飛翔能力に関与するゲノム領域にはどのような分化パターンが見られるか？
田井博登、杉本倖平、大島一正
- PA-42** Rapid evolution of multiple cis-regulatory elements resulting in acquisition of a novel mesoderm specification pathway in euechinoids
○Nina Levin, Atsuko Yamazaki, Natalia Gogoleva, Shumpei Yamakawa, Yoshiaki Morino, Hiroshi Wada
- PA-43** Pruning of transcription factors and the macroevolution of mammals
趙新威
- PA-44** Characterization of thermo adapted *Escherichia coli*
高温適応進化大腸菌の特性解析
○西広翔、木所恵利佳、菅野暢、小西隆介、松尾萌、古倉健嗣、山内長承、岸本利彦
- PA-45** Common features of bacteria identified in the International Space Station
渡邊あおい

- PA-46** Quantification for the genetic and epigenetic effects on mouse allele-specific gene expression and evaluation
マウスのアレル特異的遺伝子発現における遺伝的・後成遺伝的効果に関する推定とその検証
○滝澤紘樹、里村和浩、遠藤俊徳、長田直樹
- PA-47** A convergent relaxation of *sox15* among its ohnolog family members implicates its symmetric-asymmetric transition during vertebrate evolution.
脊椎動物進化における *sox15* 遺伝子の収斂的リラクゼーション:オオノログ対称性—非対称性進化
○荻田 悠作、田村 啓、高松 信彦、伊藤 道彦
- PA-48** Emergence of complexity in RNA replicators through Darwinian evolution
RNA自己複製体のダーウィン進化による複雑化
○水内良、古林太郎、市橋伯一
- PA-49** Ancient origin of human L and M opsin genes predating platyrrhine-catarrhine split
狭鼻猿-広鼻猿分岐前に遡るヒトL-Mオプシン遺伝子分化の起源
○松下裕香、竹崎直子、Amanda D. Melin、河村正二
- PA-50** Phenotypic Evolution in Host-Parasite Interactions
ホストパラサイト相互作用での表現型進化
○西浦直人、金子邦彦
- PA-51** Phylogeography of terrestrial isopods from Japan inferred from mitochondrial DNA (mtDNA) sequences
日本産ヒメフナムシ属のミトコンドリアDNA分析に基づく系統地理学的考察
○張替若菜、齊藤彩、善本智佳、鈴木仁、山本正伸
- PA-52** Phylogeographic analysis of hybrid weakness in *Capsicum*
トウガラシ雑種弱勢における系統地理学的解析
○白柿薫平、横井修司、手塚孝弘
- PA-53** Island chronosequence of Hawaiian archipelago and speciation patterns in Drosophilinae
分散能力とハワイ諸島形成過程がショウジョウバエの種分化に及ぼす影響の解明
○綿貫栞、山口諒、田村浩一郎
- PA-54** Comparison of pelvic morphology of bats
日本産コウモリの骨盤形態の比較
○鳥海夏葉、福井大、木村順平、小薮大輔、久保麦野、野尻太郎、鈴木牧

- PA-55** Zoos act like “melting pots” of spider monkeys
クモザルのるつぼ
○北山遼、白井温、根本慧、田和優子、綿貫宏史朗、早川卓志
- PA-56** Environmental DNA metabarcoding characterizes the distribution and phylogeography of a primary freshwater fish, Siberian stone loach
環境DNAにより推定された、純淡水魚フクドジョウの分布傾向と系統地理
○八柳 哲、神戸 崇、水本寛基、福島路生、中嶋信美、荒木仁志
- PA-57** Development of enzyme function prediction method using deep learning
深層学習を用いた酵素機能予測法の開発
○川崎悠二、里村和弘、長田直樹、遠藤俊徳
- PA-58** Mating compatibilities among populations showing distinct barcode sequences and host associations but without morphological differences
形態差は見られないがバーコーディング領域の配列と寄主植物には明瞭な差異が見られる
集団間での交配実験
○田中 康湧、山本 格、大島 一正
- PA-59** Correlation between thermo-adaptive evolved *Escherichia coli* and chaperonin GroEL evolution
大腸菌の高温適応進化とシャペロニンGroELの進化の相関
○小西隆介、西広 翔、菅野 暢、松尾萌、古倉健嗣、山内長承、岸本利彦
- PA-60** Investigating a general law of protein evolution from long-term experimental evolution of *E. coli* with highly mutagenic conditions
高変異率の大腸菌長期実験進化から遺伝子進化速度の一般法則を探る
○芝井厚、古澤力、津留三良
- PA-61** Measuring and analyzing the mutational robustness of *Escherichia coli* promoter.
大腸菌プロモーターの変異に対するロバストネスの測定と解析
○畑中直木、津留 三良、古澤 力
- PA-62** Mutational Analysis of Proteostasis in thermo-adaptive evolution *Escherichia coli*
高温適応進化大腸菌におけるProteostasisの変異機能解析
○菅野 暢、西広 翔、小西 隆介、松尾 萌、古倉 健嗣、山内 長承、岸本 利彦

- PA-63** Larval light-response behavior and implications for the depth distribution in the reef-building coral, *Acropora tenuis*
造礁サンゴ*Acropora tenuis*の幼生における光応答的な遊泳行動と成体の分布パターンへの影響
○酒井祐輔、加藤輝、小山宏史、Alyson Kuba、高橋弘樹、藤森俊彦、服田昌之、Andrew Negri、Andrew Baird、上野直人
- PA-64** Difference of long-distance detection between color vision types in squirrel monkeys
リスザルにおける遠距離視条件下での色覚型による物体の発見効率の違い
○西川真理、早川卓志、Amanda Melin、河村正二
- PA-65** Effects of mitochondrial introgression and temperature on Dolly Varden (*Salvelinus malma*)'s growth
ミトコンドリア遺伝子浸透と水温がオシロコマの成長に与える影響について
○Xin SU, Hirokazu URABE, Fumi YAMAGUCHI, Hiroki MIZUMOTO, and Hitoshi ARAKI
- PA-66** Endopolyploidy and endosymbiosis: ploidy dynamics in the aphid cells harboring Buchnera endosymbiont
○Tomonari Nozaki, Shuji Shigenobu
- PA-67** Discovery of a new tripartite symbiosis : insects-bacteria mutualism determined by fungi
新たな三者共生系の発見:カビが決める昆虫とバクテリアの相利共生
○石神広太、Jang Seonghan、伊藤英臣、菊池義智
- PA-68** Characterization of the endosymbionts in the spotted lanternfly, *Lycorma delicatula*, (Hemiptera: Fulgoridae)
シタバニハゴロモ*Lycorma delicatula* (カメムシ目ビワハゴロモ科) 共生細菌のキャラクターゼーション
○仲下綾乃、汪亜運、嶋田敬介、土田 努
- PA-69** Experimental examination of the mechanism of male-biased primary sex ratio in the termite, *Neotermes sugioi*, by cross-breeding among populations.
スギオシロアリはなぜオスを多く産むのか? 個体群間交配による卵性比制御至近メカニズムの解明
東江あやか、辻和希、立田晴記
- PA-70** Northward Expansion of *Drosophila takahashii* Distribution in Japan
タカハシショウジョウバエの日本北上
○新井健太、小沼萌、澤村京一

- PA-71** Evolution of thermal tolerance and its plasticity along an urbanization gradient in *Drosophila suzukii*
都市のアウトウシヨウジョウバエにおける温度耐性とその表現型可塑性の進化
○佐藤あやめ、高橋佑磨
- PA-72** Oviposition site preference in *Drosophila suzukii*: Effects of microbes and substrate hardness
アウトウシヨウジョウバエの産卵基質選好性: 基質上の微生物と硬さの影響
○佐藤愛莉、田中健太郎、Joanne Y. Yew、高橋文
- PA-73** Evolution of ovarian diapause in *Drosophila*
シヨウジョウバエの生殖休眠の進化
○藤近敬子、田中健太郎、高橋文
- PA-74** Assessment strategy as personality? -An approach to the intra-specific variation in *Drosophila prolongata*-
評価戦略は個性か? ~テナガシヨウジョウバエにおける種内多様性の解明にむけて~
○網野海、松尾隆嗣
- PA-75** A novel research model for the interactions between multiple organisms: Super-nested symbiotic system of the weevil, *Smicronyx madaranus*
多種生物間相互作用研究の新モデル: マダラケシツブゾウムシ *Smicronyx madaranus* の超入れ子型共生系
○鷓嶋 涼、村上 涼生、杉本 凌真、玉置 大介、唐原 一郎、半場 祐子、鈴木 義人、若杉 達也、土田 努
- PA-76** How and under what conditions clades of hybrid origin undergo multiple phylogenetically nested adaptive radiations?
雑種形成が適応放散の繰り返しを促進する仕組みと条件を探る: シミュレーションによる研究
○香川 幸太郎、Ole Seehausen
- PA-77** Developing methods for injection against ovipositing females: towards the establishment of a genome editing method for gracillariid moths
ホソガ科蛾類のゲノム編集技術確立に向けたメス成虫へのインジェクション手法の開発
○山上七海、天野泰輔、大島一正
- PA-78** Convergent evolution of fork tails in swallows and swifts
ツバメ類とアマツバメ類にみられる燕尾の収斂進化
○長谷川克、新井絵美
- PA-79** Genetic basis of orange spots formation in the guppy, *Poecilia reticulata*
グッピーにおけるオレンジスポット形成の遺伝的基盤
○川本麻祐子、石井悠、河田雅圭

- PA-80** Environmental Oxygen Induces Interdigital Cell Death
環境酸素による指間細胞死の誘導
○小野沙桃実、Ingrid Rosenburg Cordeiro、越智陽城、岸田治、田中幹子
- PA-81** The origin of basement membrane - functional analysis of unicellular holozoan's laminin-like genes
基底膜の起源—単細胞ホロゾアのラミニン様遺伝子の機能解析
○傳保聖太郎、福原光海、小西博昭、八木俊樹、菅裕
- PA-82** Molecular evolution of genes controlling mammalian liver development and their expression pattern in the liver of cyclostomes (hagfish and lamprey)
肝臓形成遺伝子の分子進化と円口類の肝臓における発現パターン
○太田考陽、加藤英明、山崎裕治、池尾一穂、塩尻信義
- PA-83** Evolution of Genital Morphology in the *Drosophila auraria* Species Complex: Species-Specific Structures Having a Physical Interaction between Sexes.
カオジロシヨウジョウバエ類における生殖器形態の進化:雌雄で対応している種特異的な構造
○小沼萌、上村佳孝、澤村京一
- PA-84** The role of mechanical stresses in limb skeletal development
四肢の骨格パターン形成における力学的ストレスの役割
○坪井絵里子、Ingrid Rosenburg Cordeiro、小泉誠、岡部正隆、田中幹子
- PA-85** Symmetry of gastric pouch positioning is polymorphic in sea anemone *Diadumene lineata*
○Sarper Safiye Esra, Hirai Tamami, Kamamoto Naoya, Kuratani Shigeru, Fujimoto Koichi
- PA-86** The finding the origine of vomeronasal organ in ancient fishes
古代魚における鋤鼻上皮の起源の探索
○佐久間敦丈、二階堂雅人
- PA-87** Investigation of molecular mechanisms which enable indeterminate growth of compound leaves in genera *Guarea* and *Chisocheton*
*Guarea*属や*Chisocheton*属における複葉無限成長の分子機構の解析
○森山安武、塚谷裕一、古賀皓之
- PA-88** Do echinoderms have more derived molecular developmental programs than chordates? -introducing "derivedness index" from transcriptomic data
○Jason Cheok Kuan Leong, Yongxin Li, Akihito Omori, Masahiro Uesaka, Yui Uchida, Tao Zeng, Luonan Chen, Mariko Kondo, Gary Wessel, R Andrew Cameron, Brian Livingston, Cynthia Bradham, Wen Wang, Naoki Irie

- PA-89** Structure and development of the complex 3D helmet of treehoppers
 複雑な三次元構造を有するツノゼミのヘルメットの形態形成
 足立晴彦、松田佳祐、近藤滋、○後藤寛貴
- PA-90** Uric acid accumulation in the wings of German cockroach *Blattella germanica* and several other cockroach species
 ゴキブリ類の翅における尿酸顆粒の貯蔵について
 野田智仁、深津武馬
- PA-91** Molecular mechanisms producing blue spot in blue-tailed damselfly (*Ischnura senegalensis*)
 アオモンイトンボの腹部「青紋」を作り出す分子基盤
 ○奥出絃太、森山実、深津武馬、二橋亮
- PA-92** Neural basis associated with the behavioral evolution in Hymenoptera: Comparative physiology of the mushroom bodies between the honey bee and the sawfly, a primitive hymenopteran insect
 ハチ目昆虫の行動進化の脳基盤～ミツバチと原始的なハチ目昆虫カブラハバチのキノコ体の比較生理学的解析～
 ○桑原高佳、河野大輝、畠山正統、久保健雄
- PA-93** The effects of transposable elements and the expression of flanking genes in *Caenorhabditis inopinata* with large evolutionary changes from the related species
 近縁種から大きな進化的変化を生じた*Caenorhabditis inopinata*において、転位因子が近傍遺伝子の発現に与える影響
 ○河原数馬、稲田垂穂、田中龍聖、Mehmet Dayi, 菊地泰生、杉本亜砂子、河田雅圭
- PA-94** Identification of transposable elements affecting tissue-specific gene expression
 組織特異的な遺伝子発現に影響を与える転移因子の同定
 ○島野桂伍、里村和弘、長田直樹、遠藤俊徳
- PA-95** Which cell type of campaniform sensilla expresses the patterning gene *wingless* in pupal wings of *Drosophila guttifera*?
 ミズタマシヨウジョウバエの模様形成遺伝子*wingless*は、蛹期の翅において鐘状感覚子のどの細胞で発現しているのか？
 ○古関将斗、越川滋行
- PA-96** Unicellular holozoans elucidate the origin of intercellular communication
 単細胞ホロゾア解析を通じた動物の細胞間連絡の起源解明
 ○日野礼仁、小野真実、小西博昭、八木俊樹

- P-97** Genome-wide analysis of the Nivkh people in Sakhalin supported for the relationships between peopling history and linguistic diversity in Northeast Asia.
 サハリン先住民民族ニブフのゲノムワイド解析は、北東アジアにおける集団史と言語多様性の関連を支持する
 ○Hiromi Matsumae, Takehiro Sato, Chiara Barbieri, Kae Koganebuchi, Nao Nishida, Eriko Ochiai, Motoki Osawa, Tadashi Imanishi, Ryosuke Kimura, Hideyuki Tanabe, Atsushi Tajima, Hiroki Oota*, Kentaro K. Shimizu*
- P-98** Genomic characterization of heteromorphic self-incompatibility locus in buckwheat
 ○Tatsuya Ota, Jotaro Aii, Mariko Ueno, Ryo Ohsawa, Hiroki Saito, , Kenta Shirasawa, Ryoma Takeshima, Tetsuya Nakazaki, Kazusa Nishimura, Takashi Hara, Hideki Hirakawa, Jeffrey Fawcett, , Katsuhiko Matsui, Nobuyuki Mizuno, Yasuo Yasui
- P-99** Evolutionary origin and maintenance of an amphibian specific alternative splicing in heat sensitive TRPA1
 高温センサーTRPA1における両生類特異的なスプライシングバリエントの進化的な起源と維持機構
 ○齋藤くれあ、齋藤 茂、富永真琴
- P-100** The role of thermosensory system in the heat tolerance of Ryukyu kajika frog (*Buergeria japonica*)
 リュウキュウカジカガエルの高温適応における温度受容システムの役割
 ○齋藤 茂、齋藤くれあ、井川武、小巻翔平、富永真琴
- P-101** Exogenous capturing of self-transmissible plasmids from natural environment transmitting antibiotic resistance genes.
 薬剤耐性遺伝子の伝播に寄与するプラスミドの収集
 ○中道 孝一郎, 金子 健成, 森 光矢, 森内 良太, 道羅 英夫, 金原 和秀, 二又 裕之, 新谷政己
- P-102** Genomic regions of Japanese wolf (*Canis lupus hodophilax*) may have contributed to establishment of Japanese dogs
 日本犬の成立に寄与したニホンオオカミのゲノム領域
 ○寺井洋平、五條堀淳、本郷一美、松村秀一、石黒直隆
- P-103** Investigating the signature of selection on a gene associated with dyslexia of Chinese characters
 漢字ディスレクシア関連遺伝子に対する自然選択の痕跡を探る
 ○西山久美子、颯田葉子、五條堀淳

- P-104** Molecular evolution of jumping spider rhodopsins that underlie the depth perception from image defocus
 奥行き知覚を支えるハエトリグモのロドプシンの分子進化
 ○小柳光正、永田崇、寺北明久
- P-105** Possible new functions related to chromatin organization in human tDNA
 ○岩崎 裕貴、池村 淑道、黒川 颯、岡田 典弘
- P-106** Possible role of intra-strain variation and evolution in the epidemiology of a quarantine plant virus
 ○前島健作、橋本将典、薦田(萩原)優香、宮崎彰雄、西川雅展、汲田幸平、丸山紀子、難波成任、山次康幸
- P-107** The effect of low-dose radiation on mutations in M2 generation of *Arabidopsis thaliana*
 シロイヌナズナにおける低線量放射線照射処理・次世代での突然変異への影響
 ○平尾章、渡辺嘉人、長谷川陽一、高木俊人、上野真義、兼子伸吾
- P-108** Molecular evolution of chemosensory receptor genes in the egg-laying mammals: echidna and platypus
 卵を産む哺乳類であるハリモグラとカモノハシにおける化学受容体遺伝子の分子進化
 ○早川卓志、Yang Zhou、鈴木彦有、二階堂雅人、Frank Grutzner、Guojie Zhang
- P-109** Molecular evolution of two convergent duplication-type sex determining genes, *Xenopus dm-W* and medaka *dmy a*: verification for a “Jump-Corruption evolution” hypothesis
 収斂重複型性決定遺伝子 ツメガエル*dm-W*とメダカ*dmy*の分子進化: 下剋上進化仮説の検証に向けて
 ○藤村楓雅、荻田悠作、林舜、塚本大輔、田村啓、高松信彦、伊藤道彦
- P-110** Presence-absence polymorphisms of single-copy genes in the stony coral *Acropora digitifera*.
 コユビミドリイシサンゴにおける遺伝子有無の多型
 ○仮屋園志帆・寺井洋平
- P-111** Project for evolutionary mechanism on diversification of polyglutamine repeats in human
 ○ 嶋田 誠
- P-112** Functional analysis of bacteriocyte-specific amino acid transporter in whiteflies
 タバココナジラミ菌細胞内で特異的に働くアミノ酸トランスポーターの機能解析
 川端 大樹、土田 努、○藤原 亜希子

- P-113** A preliminary analysis on adaptiveness of conspicuous consumption using a gene-culture coevolution model
 顕示的消費行動の適応的意義に関する遺伝子-文化共進化モデルを用いた予備的な分析
 ○小松秀徳、橋本康弘、田中伸幸、劉広昊、陳昱
- P-114** Role of hybrid genome doubling in polyploid wheat evolution
 コムギ倍数性進化における雑種ゲノム倍加の重要性
 ○松岡由浩、森直樹
- P-115** Patterns and Phylogeny of *Arothron* Pufferfish
 モヨウフグ属魚類の模様と系統
 ○宮澤清太
- P-116** Comparisons of flower traits and genetic structures in the hybrid zone between *Camellia japonica* and *Camellia rusticana*
 ヤブツバキとユキツバキの交雑帯における形質と遺伝的構造の比較
 ○阿部晴恵、蓑和冴文、三浦弘毅
- P-117** Dispersal in eastern Eurasia and hair color variation in House mouse *Mus musculus* inferred from genome sequence analyses
 ゲノム配列に基づく野生ハツカネズミの東方移動と毛色変異進化
 鈴木仁、藤原一道、河合洋介、高田豊行、城石俊彦、斎藤成也、長田直樹
- P-118** Resolving the basal relationships of teleost fish using genome-scale data
 ゲノムスケールデータを用いた真骨類の初期の分岐パターンの推定
 竹崎直子
- P-119** A *Wolbachia* strain that is no longer able to rescue the modification of cytoplasmic incompatibility
 細胞質不適合 (CI) の修飾を救済できなくなったボルバキア
 ○吉田一貴・真田幸代・徳田誠
- P-120** "Evolve & Requence" for the adaptive evolution of *Drosophila albomicans* to coldness
 アカショウジョウバエの低温適応の実験進化
 近藤朋希、小川佳孝、田中健太郎、○田村浩一郎
- P-121** Comprehensive behavioral assay of humanized substitutions in *Vmat1* with genome-edited mice
Vmat1 ヒト型改変マウスを用いた網羅的行動解析
 ○佐藤大気、井上-上野由紀子、森本由起、井上高良、服部聡子、Giovanni Sala、宮川剛、河田雅圭

- P-122** Is the mutation of twin-tail goldfish optimal?
育種で双尾金魚に固定した変異は最適か?
太田 欽也
- P-123** Complex relationship between tunneling patterns and individual behaviors in termites
シロアリのトンネル形成の種間差における行動と構造の関係
○Nobuaki Mizumoto, Paul M. Bardunias, Stephen C. Pratt
- P-124** Comparing life histories of early- and late-winter geometrid moths
初冬型および晩冬型フコシヤク類の生活史比較: 平行種分化の謎に迫る
○山本哲史、工藤誠也、佐藤臨、池田紘士、藤澤知親、野村翔太、曾田貞滋
- P-125** The ecological by-products of evolution of polymorphisms in birds
鳥類における種内多型の進化の生態的副産物
高橋佑磨、秦 和也、佐藤恵里、鈴木紀之、村上正志
- P-126** Kin selection and reproductive value in social mammals
哺乳類社会における血縁淘汰: 繁殖価の重要性
沓掛展之、長谷川克
- P-127** How does a biological population adapt to a new colonized habitat?: case study of a *Daphnia pulex* population colonized in Lake Fukami-ike, Nagano analyzed by dormant eggs preserved in lake sediments.
生物個体群は移入先の環境にどのように適応するか: 湖沼堆積物と休眠卵を用いた、長野県深見池におけるミジンコ個体群の環境適応の分析
○大竹裕里恵、大槻朝、占部城太郎、陶山佳久、松尾歩、廣田峻、印南秀樹、木村成子、山田和芳、吉田丈人
- P-128** Host selectivity of the flower-feeding fruit fly *Drosophila elegans*
花に棲むカザリショウジョウバエの訪花選好性
○石川由希、林優人、藤井航平、武方宏樹、田中良弥、上川内あづさ
- P-129** A courtship behavior that makes monandrous females polyandrous
新奇求愛行動獲得による配偶システムの進化
嶺川一喜、網野 海、○松尾隆嗣
- P-130** Evo-Devo study of hatching gland cells in vertebrates
椎動物孵化腺細胞の進化発生学的研究
○長澤竜樹、安増茂樹、矢野十織、岡部正隆

- P-131** Investigation of the developmental process and molecular mechanism of hindwing degeneration of ground beetles
オサムシの後翅退化の発生過程と分子機構の解明
蘇智慧、佐々木綾子、新美輝幸、富永修
- P-132** Floral phyllotaxis is polymorphic in basal eudicot species
花のボディプランの種内多型
○藤本仰一、北沢美帆
- P-133** The Birth of Linguistic Humans 66,000 Years Ago with Howiesons Poort Industry and Laryngeal Descent
言語的人類は6万6千年前にホイスンズプールト文化と喉頭降下とともに生まれた
得丸久文
- P-134** Macroevolutionary patterns of dorsoventral color patterning in birds
鳥の羽の色の進化パターン
○Nicholas Friedman
- P-135** Continuous characteristics in terms of morphology, brain dopamine and aggressive behavior in an intermediate caste in honey bees
セイヨウミツバチの中間型カーストにおける形態・脳内ドーパミンおよび攻撃行動に関する連続的な形質
○佐々木謙、原田真理子
- P-136** The origin of Notch signaling and the evolution of multicellularity
Notchシグナリングの起源と動物多細胞性の進化
青野克俊、山原直樹、國村直人、小出尚史、○菅裕